

Table SI. A total of 108 differentially expressed genes for type 2 diabetes mellitus.

A, Downregulated genes

No.	Gene name	Fold_change	T Scores	P-values	fdr_BH
1	<i>SLC2A2</i>	0.29251	4.98193	0.00002	0.04145
2	<i>ESM1</i>	0.31456	4.17607	0.00057	0.07958
3	<i>PLA1A</i>	0.34476	4.60970	0.00021	0.06227
4	<i>SFTPD</i>	0.33382	4.83441	0.00013	0.04681
5	<i>CHL1</i>	0.36236	4.99529	0.00002	0.04109
6	<i>LOC644328</i>	0.40750	3.95183	0.00094	0.09111
7	<i>ZNF610</i>	0.42079	5.87709	0.00001	0.02529
8	<i>ASB9</i>	0.43684	5.09243	0.00008	0.04109
9	<i>CDK2AP2</i>	0.439043	3.90910	0.00103	0.09193
10	<i>IGFBP3</i>	0.47674	6.42734	4.75x10 ⁻⁶	0.01701
11	<i>EDN3</i>	0.48008	5.19513	0.00006	0.04109
12	<i>GALNT14</i>	0.49275	5.66566	0.00002	0.02842
13	<i>LPAR3</i>	0.49609	3.98233	0.00087	0.09015
14	<i>TMEM27</i>	0.50494	4.21897	0.00052	0.07876
15	<i>KCNG3</i>	0.52297	3.98963	0.00086	0.08968
16	<i>PIGA</i>	0.52560	3.91376	0.00102	0.09193
17	<i>LOC730184</i>	0.53119	4.20074	0.00053	0.07875
18	<i>LOC144742</i>	0.54100	4.01608	0.00081	0.08968
19	<i>NXPH1</i>	0.56211	4.00937	0.00082	0.08968
20	<i>NEDD9</i>	0.56838	3.79153	0.00134	0.09796
21	<i>RASGRF1</i>	0.57100	6.09164	9.35x10 ⁻⁶	0.01824
22	<i>TMEM37</i>	0.57876	4.86908	0.00012	0.04681
23	<i>PHC1</i>	0.57888	4.31348	0.00042	0.07876
24	<i>PHC1B</i>	0.57888	4.31348	0.00042	0.07876
25	<i>C8orf47</i>	0.59065	4.06455	0.00073	0.08968
26	<i>PPM1E</i>	0.59194	4.14224	0.00061	0.08367
27	<i>MCOLN3</i>	0.59576	4.02734	0.00079	0.08968
28	<i>PPP1R1A</i>	0.60512	5.11695	0.00008	0.04109
29	<i>C9orf126</i>	0.60643	3.97140	0.00090	0.09106
30	<i>TRAF3IP2</i>	0.61122	3.83033	0.00123	0.09442
31	<i>RCAN2</i>	0.61149	5.06771	0.00005	0.04109
32	<i>FAM105A</i>	0.61622	4.05033	0.00075	0.08968
33	<i>CHD5</i>	0.62973	6.12001	8.82x10 ⁻⁶	0.01824
34	<i>ZNF697</i>	0.63291	4.74416	0.00016	0.05094
35	<i>MYCN</i>	0.64250	5.07624	0.00008	0.04109
36	<i>UBL3</i>	0.64320	4.47836	0.00029	0.06836
35	<i>ODC1</i>	0.64398	5.79456	0.00002	0.02639
38	<i>MBNL3</i>	0.64480	4.10518	0.00067	0.08770
39	<i>FER1L4</i>	0.64782	3.95538	0.00093	0.09111
40	<i>GLIS3</i>	0.66247	4.83757	0.00013	0.04681
41	<i>LOC100129014</i>	0.66465	3.82977	0.00123	0.09442
42	<i>UNC13B</i>	0.66517	5.09534	0.00008	0.04109

B, Upregulated genes

No.	Gene name	Fold_change	T Scores	P-values	fdr_BH
1	<i>TIMM44</i>	1.51031	-4.85559	0.00013	0.04681
2	<i>KLF5</i>	1.51824	-3.99094	0.00086	0.08968
3	<i>PRIM2</i>	1.52073	-4.73995	0.00016	0.05094
4	<i>TMPRSS2</i>	1.52452	-4.36001	0.00038	0.07716
5	<i>LOC136242</i>	1.52933	-4.43193	0.00032	0.07274
6	<i>LOC728411</i>	1.53474	-5.30926	0.00005	0.04109
7	<i>RP3-439I14.1</i>	1.53615	-4.05187	0.00074	0.08968
8	<i>PAIP2B</i>	1.54585	-3.79659	0.00132	0.09796

Table SII. Continued.

B, Upregulated genes					
No.	Gene name	Fold_change	T Scores	P-values	fdr_BH
9	<i>ISG15</i>	1.55054	-3.80712	0.00129	0.09677
10	<i>CCR4</i>	1.55504	-4.25157	0.00048	0.07876
11	<i>PSAPL1</i>	1.56253	-3.93827	0.00096	0.09111
12	<i>SMOC1</i>	1.56944	-3.96640	0.00091	0.09111
13	<i>C20orf46</i>	1.57097	-4.03062	0.00078	0.08968
14	<i>GIPC2</i>	1.59057	-4.32622	0.00041	0.07876
15	<i>NCF4</i>	1.59200	-4.02474	0.00080	0.08968
16	<i>LOC653390</i>	1.59549	-4.08602	0.00069	0.08968
17	<i>TENC1</i>	1.60228	-5.15020	0.00007	0.04109
18	<i>GAD1</i>	1.61179	-4.02357	0.00080	0.08968
19	<i>VWA3A</i>	1.61345	-3.85952	0.00115	0.09279
20	<i>SLC22A3</i>	1.64826	-4.75350	0.00016	0.05094
21	<i>CTRB1</i>	1.66432	-3.94855	0.00094	0.09111
22	<i>PLXNA1</i>	1.71253	-3.87660	0.00111	0.09232
23	<i>TCTEX1D1</i>	1.71662	-3.98283	0.00087	0.09015
24	<i>NEFM</i>	1.71721	-3.96913	0.00090	0.09109
25	<i>SPINK1</i>	1.73226	-4.30415	0.00043	0.07876
26	<i>NEFL</i>	1.75370	-4.23846	0.00049	0.07876
27	<i>NLRP13</i>	1.83150	-3.79804	0.00132	0.09796
28	<i>CLEC11A</i>	1.83226	-4.84144	0.00013	0.04681
29	<i>PLA2G1B</i>	1.85258	-3.90799	0.00103	0.09193
30	<i>PRSS2</i>	1.86710	-3.88253	0.00109	0.09193
31	<i>SIX6</i>	1.86880	-4.75999	0.00016	0.05094
32	<i>ANKRD19</i>	1.88712	-3.77977	0.00137	0.09979
33	<i>HMMR</i>	1.89539	-4.16175	0.00059	0.08063
34	<i>NEU3</i>	1.90065	-4.36311	0.00038	0.07716
35	<i>EFHD2</i>	1.92067	-7.09184	1.3x10 ⁻⁶	0.00933
36	<i>ANKRD23</i>	1.93119	-4.20075	0.00054	0.07876
37	<i>SERPING1</i>	1.94063	-4.06474	0.00073	0.08968
38	<i>EFNA3</i>	1.95232	-3.79322	0.00133	0.09796
39	<i>FHIT</i>	1.96549	-4.05924	0.00074	0.08968
40	<i>CEL</i>	1.96953	-3.93570	0.00097	0.09111
41	<i>CKS2</i>	2.02771	-3.93859	0.00096	0.09111
42	<i>RENBP</i>	2.09095	-4.58849	0.00023	0.06355
43	<i>FXYD3</i>	2.09427	-6.57302	3.56x10 ⁻⁶	0.01701
44	<i>SERPINA5</i>	2.21888	-4.18100	0.00056	0.07958
45	<i>LMBRD2</i>	2.26224	-5.03875	0.00009	0.04109
46	<i>SYT1</i>	2.30590	-4.99628	0.00009	0.04109
47	<i>MDFIC</i>	2.32642	-8.24742	1.58x10 ⁻⁷	0.00340
48	<i>REG1B</i>	2.38621	-4.02000	0.00080	0.08968
49	<i>DPYSL3</i>	2.42040	-3.89440	0.00106	0.09193
50	<i>RPS19BP1</i>	2.61199	-4.49657	0.00028	0.06836
51	<i>TMSL3</i>	2.67384	-3.84991	0.00117	0.09279
52	<i>TMSB4X</i>	2.67384	-3.84991	0.00117	0.09279
53	<i>TMSL1</i>	2.67384	-3.84991	0.00117	0.09279
54	<i>TMSL6</i>	2.67384	-3.84991	0.00117	0.09279
55	<i>TMSL2</i>	2.67384	-3.84991	0.00117	0.09279
56	<i>NHLH2</i>	2.79405	-4.37944	0.00036	0.07716
57	<i>DKK3</i>	2.82101	-3.99726	0.00085	0.08968
58	<i>CPA2</i>	2.85602	-4.35339	0.00038	0.07716
59	<i>RIG</i>	3.04337	-5.04955	0.00008	0.04109
60	<i>LOC100128844</i>	3.62753	-4.17054	0.00058	0.07958
61	<i>KANK4</i>	3.68570	-3.79130	0.00134	0.09796
62	<i>PCK1</i>	3.71736	-4.28452	0.00045	0.07876
63	<i>REG1A</i>	4.19451	-3.93708	0.00097	0.09111

Table SII. Continued.

B, Upregulated genes

No.	Gene name	Fold_change	T Scores	P-values	fdr_BH
64	<i>SERPINA3</i>	7.17397	-4.33613	0.00040	0.07837
65	<i>PCOLCE2</i>	8.09234	-5.22859	0.00006	0.04109
66	<i>CTGF</i>	8.36165	-4.19812	0.00054	0.07876

fdr_BH, false discovery rate_Benjamini & Hochberg.

Table SII. A total of 83 candidate genes for type 2 diabetes mellitus.

A, Downregulated genes	
Gene name	Degree
<i>PRSS2</i>	8
<i>CPA2</i>	10
<i>NEU3</i>	10
<i>NHLH2</i>	10
<i>PAIP2B</i>	10
<i>TMPRSS2</i>	10
<i>KANK4</i>	11
<i>REG1A</i>	11
<i>REG1B</i>	11
<i>TCTEX1D1</i>	11
<i>CEL</i>	12
<i>CTRB1</i>	12
<i>MDFIC</i>	12
<i>RENBP</i>	12
<i>SIX6</i>	12
<i>SFTPD</i>	13
<i>SLC22A3</i>	13
<i>SPINK1</i>	13
<i>CCR4</i>	14
<i>EFNA3</i>	14
<i>PRIM2</i>	14
<i>GIPC2</i>	15
<i>PLA2G1B</i>	15
<i>NCF4</i>	16
<i>PLXNA1</i>	16
<i>RPS19BP1</i>	16
<i>FXYP3</i>	17
<i>SMOC1</i>	17
<i>DKK3</i>	19
<i>EFHD2</i>	19
<i>FHIT</i>	20
<i>CKS2</i>	22
<i>GAD1</i>	23
<i>DPYSL3</i>	25
<i>SERPINA5</i>	26
<i>NEFM</i>	30
<i>SERPINA3</i>	31
<i>KLF5</i>	32
<i>HMMR</i>	35
<i>TIMM44</i>	36
<i>TENC1</i>	37
<i>NEFL</i>	41
<i>SYT1</i>	44
<i>TMSB4X</i>	44
<i>PCK1</i>	85
<i>ISG15</i>	185

B, Upregulated genes

Gene name	Degree
<i>FAM105A</i>	8
<i>NXPH1</i>	8
<i>ESM1</i>	8
<i>PCOLCE2</i>	8

Table SII. Continued.

B, Upregulated genes	
Gene name	Degree
<i>TMEM37</i>	8
<i>UBL3</i>	8
<i>GALNT14</i>	10
<i>ANKRD23</i>	11
<i>KCNG3</i>	11
<i>MCOLN3</i>	11
<i>PIGA</i>	11
<i>PPP1R1A</i>	11
<i>RCAN2</i>	11
<i>TMEM27</i>	11
<i>ZNF610</i>	11
<i>CHLI</i>	12
<i>PLA1A</i>	12
<i>CHD5</i>	13
<i>EDN3</i>	13
<i>GLIS3</i>	13
<i>SLC2A2</i>	13
<i>LPAR3</i>	14
<i>MBNL3</i>	15
<i>PPM1E</i>	15
<i>ZNF697</i>	19
<i>CTGF</i>	20
<i>UNC13B</i>	21
<i>CDK2AP2</i>	24
<i>ODC1</i>	26
<i>MYCN</i>	27
<i>SERPING1</i>	28
<i>PHC1</i>	29
<i>RASGRF1</i>	29
<i>ASB9</i>	34
<i>TRAF3IP2</i>	34
<i>IGFBP3</i>	41
<i>NEDD9</i>	50